

是完全保守的。以上情况说明, 这个  $C \rightarrow A$  突变是导致猕猴白化的根源。从而我们确定了酪氨酸酶基因是猕猴白化病基因。

在研究中我们还发现了有趣的现象: 珍珍和康康来自不同的区域, 珍珍的父亲老歪在云南被发现, 康康则是在河北发现的。但是这两个无关个体除同时发生了上述 552 位点的突变外, 还同时发生了相同的错义突变  $930C \rightarrow G$  (鸟嘌呤脱氧核苷酸), 这难道仅仅是巧合吗? 552 无义突变在 93 个对照样品中没有出现, 所以此突变的频率可能低于 0.005。在自然群体中  $930C \rightarrow G$  的突变频率约为 0.016。因此无义突变在两个不同的染色体上同时独立发生的频率将会低于  $0.016 \times 0.005 = 0.008\%$ , 其发生的可能性极小。因此更合理的解释是, 这两个个体中的  $552C \rightarrow A$  突变是由同一个祖先白猴传下来的。根据该基因的进化速度和基因变异情况推算, 这个白猴祖先可能生活在 80 万年前。换言之, 猕猴白化病基因大概起源于 80 万年以前。

我们的研究查明了灵长目动物猕猴白化病基因的位置及其遗传规律, 揭示了该病的发病机理, 为人白化病的研究提供了有效的动物模型, 为攻克这种遗传病创造了有利条件, 也为这类白化动物的科学繁殖奠定了基础。国际权威刊物 *Mutation Research* (《突变研究》) 发表了这一成果。

———— \* ———— \* ———— \* ————

## \* 简讯\*

### 世界计算机大会在北京召开

**本刊讯** 第 16 届世界计算机大会于 8 月 21 日上午在北京国际会议中心隆重开幕, 国家主席江泽民出席大会并发表了讲话。

本届大会为期 5 天, 主题为“2000 年后的信息科学与技术”, 集中探讨了信息技术在新世纪的发展脉络及其对社会的深刻影响, 讨论的问题涉及芯片设计自动化、软件理论与应用、通信、信息与网络安全、智能信息处理、信号处理、现代教育中的信息与通信技术、企业管理中的信息技术等领域。大会设立了由国内外大学生参加的青年论坛和著名学者参加的先驱者论坛, 会议期间还举办了主题为“因特网技术和商务应用”的第 16 届世界计算机大会展览会。

世界计算机大会每两年一届, 是隶属于联合国教科文组织的国际信息处理联合会最重要的活动, 被誉为 IT 界的奥林匹克。这是世界计算机大会 30 年来首次在发展中国家召开。本次大会由国际信息处理联合会主办, 中国电子学会承办。来自世界各国的 2 000 余名信息技术专家和企业家参加了这次大会。

(晓岩)